



Applicants: Christopher C. Fraser (as amended)
Serial No.: 09/766,511 Filed: January 19, 2001
Title: Nucleic acids encoding Tango 405 and functional fragments and
uses thereof (as amended)
Atty/Agent: Mario Cloutier
Attorney Docket No.: MPI00-537OMNIRCEM

Replacement Figure Sheet 1 of 39

Hum.	10	20	30	40	50	60	70
	MRRQPAKVAALLGLLLECTEAKKHCHWYFEGLYPTYICRSYEDCCGSRCCVRALSIQRLWYFWFLMMG						
	:						
Mur.	10	20	30	40	50	60	70
	MGRRIGRVAALLGLLVECTEAKKHCHWYFEGLYPTYICRSYEDCCGSRCCVRALSIQRLWYFWFLMMG						
	:						
Hum.	80	90	100	110	120	130	140
	VLFCGAGFFIRRRMYPPPLIEEPAFNVSYTRQPPNPGPGAQQPGPPYYTDPGGPGMNPVGNMAMAFQV						
	:						
Mur.	80	90	100	110	120	130	140
	VLFCGAGFFIRRRMYPPPLIEEPTFNVSYTRQPPNPAAPGAQQMGPPYYTDPGGPGMNPVGNMAMAFQV						
	:						
Hum.	150	160	170				
	PPNSPQGSVACPPPPPAYCNTPPPPYEQVVKAK						
	:						
Mur.	150	160	170				
	QPNSPHGGTTYPPPPSYCNTPPPPYEQVVKDK						
	:						

Fig. 1A

Replacement Figure Sheet 2 of 39

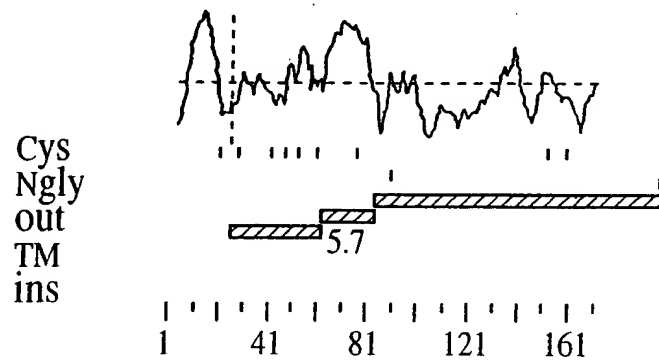


Fig. 1B

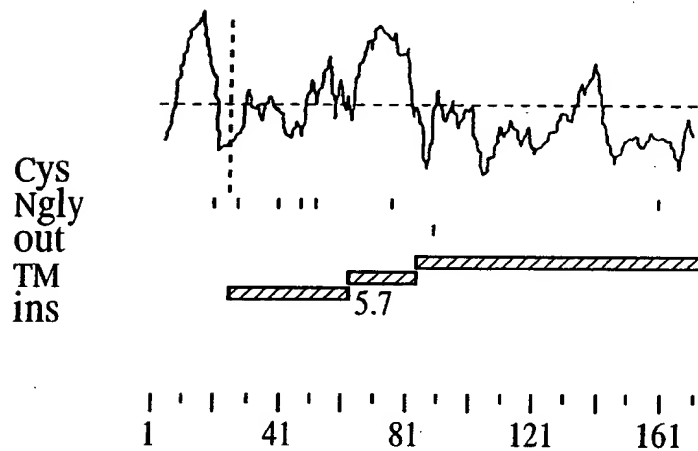


Fig. 1C

Replacement Figure Sheet 3 of 39

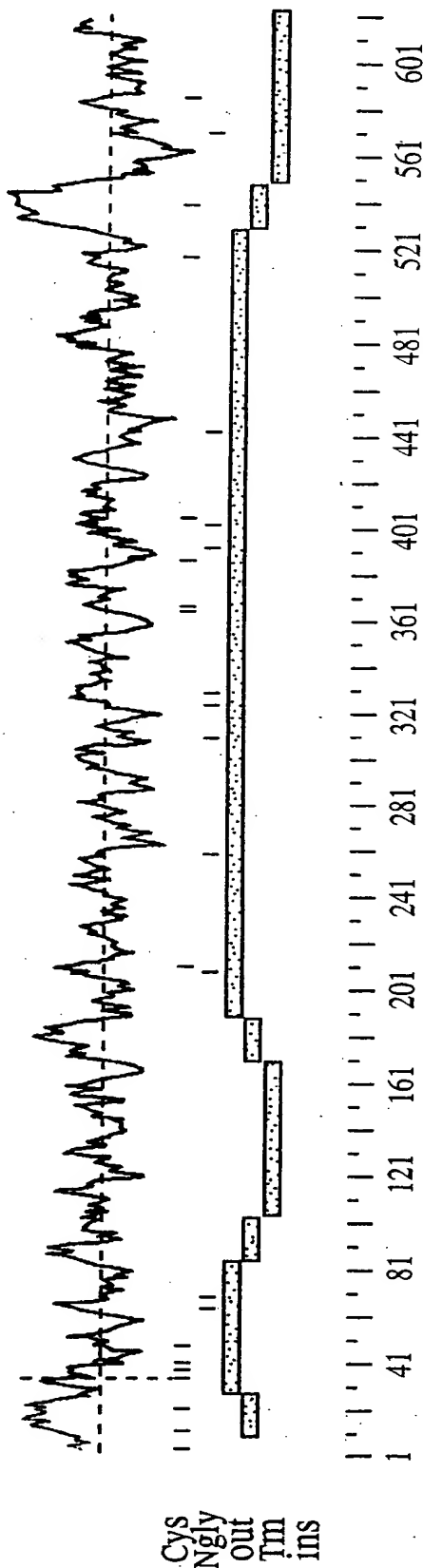


Fig. 2A

Replacement Figure Sheet 4 of 39[illegible]

Fig. 2B

Replacement Figure Sheet 5 of 39

```
280      290      300      310      320      330      340
Slit AACTCSNNIVDCRGKGLTEIPTNLPEITTEIRLEQNTIKVIPPGAFSPYKRLRIDLSNNQISELAPDAF
325 -----LR-----ISE-----SGFHLENLACL-----SNAFEVLKS-----
      350      360      370      380      390      400      410
Slit QGLRSLNSLVLYGNKITEPKSLFEGFLSLQLLLNANKINCLRVDAFQDLHNLNLLSLYDNKLQTIAG
      325 -----LR-----ISE-----SGFHLENLACL-----SNAFEVLKS-----
      420      430      440      450      460      470      480
Slit TFSPLRAIQTMHLAQNPFI CDCHLKWLA DYLHTNPIETSGARCTSPRRLAN KRIGQIKSKKFRCSAKEQY
      325 -----LR-----ISE-----SGFHLENLACL-----SNAFEVLKS-----
      490      500      510      520      530      540      550
Slit FIPGTEDYRSKLSGDCFADLACPEKRCRCEGTTVDCSNQKLNKIPEHIPOYTAE LRLN NNEFTVLEATGIF
      325 -----LR-----ISE-----SGFHLENLACL-----SNAFEVLKS-----
```

Fig. 2C

Fig. 2D

Replacement Figure Sheet 7 of 39

```

840      850      860      870      880      890      900
Slit GNDISVVEGAFNDLSALSHLAIGANPLYCDNCNMQWLSDWKSEYKEPGIARCAGPGEMADKLLLTTPSK
325 -----SSLIHLQANSNPWECNCKLLGLRDWLAS-----
      350      360      370

910      920      930      940      950      960      970
Slit KFTCQGPVDVNILLAKCNPCLSNPCKNDGTGTCNSDPVDFYRCTCPYGFKGQDCDVPIHACISNPFCKHGGTCH
325 -----SAITLNI-----Y-----CQNP-----PSMRG-----
      380      390

980      990      1000      1010      1020      1030      1040
Slit LKEGEDGFWCICADGFEGENCEVNVDDCEDNDCENNSTCVDGINNYTCLCPPEYTGELCEEKLDFFCAQD
325 -----RALRYI-----NITNCV-----
      400

1050      1060      1070      1080      1090      1100      1110
Slit LNPCQHDSKCILTPKGFKCDCTPGYVGEHCDIDFDDCQDNKCKNGAHCTDAVNGYTCICPEGYSGLFCEE
325 -----:....:-----TSSIN-----
      410
```

Fig. 2E

Replacement Figure Sheet 8 of 39

```
1120 1130 1140 1150 1160 1170 1180
Slit SPPMVLPRTPCDNFDCQGAQCIVRINEPICQCLPGYQGEKCEKLVSVNFINKESYLQIPSAKVRPQTN
    .:. .
325 -----VSRWA-----VVK-----SPHHKTTALMMAWHKV-----
    420 430

1190 1200 1210 1220 1230 1240 1250
Slit ITLQIATDEDSGILLYKGDKDHIAVELYRGRVRASYDTGSHPASAIYSVETINDGNFHVIELLALDQSL
    .:. .
325 -----TTNGSP-----LENTETENIT-----FWERIPTS-----PAGRFFQENAFGNP-LETTAVLPVQIQLT
    440 450 460 470 480

1260 1270 1280 1290 1300 1310 1320
Slit LSVDDGNPKIITNLSKQSTLNFDSPLYVGGMPGKSNVASLRQAQNGTSFHGCI RNLYINSELQDFQKV
    .:. .
325 TSV-----TLNLEKNSALPNDA-----SMGKTSLI-----CT-----QEVEKL
    490 500 510 520

1330 1340 1350 1360 1370 1380 1390
Slit PMQTGILPGCEPCHKKVCAHGTCQPSQAGFTCECQEGWMGPLCDQRTNDPCLGNKCVHGTCLPINAFSY
    .:. .
325 NEAFDILLA-----F-----FIL
    530
```

Fig. 2F

Replacement Figure Sheet 9 of 39

```
1400      1410      1420      1430      1440      1450      1460
Slit  SCKCLEGHGVLCDDEEDLFPQCAIKCKHGKCRLSGLGQPYCECSSGYTGDSCDREISCRGERIRDYYQ
      ::      ::      ::      ::      ::      ::      ::
325 AC-----VL-----IIFLIYKVVQFKQ---KLKA-----SENS-----RENRL-EYY-
      540      550      560      570

1470      1480      1490      1500      1510      1520
Slit  KQQGYAACQTTK-KVSRLECRGGCAGGQCCGGLRSKRRKYSFECTDGSSFVDEVEKVVKCGCTRCVS
      ::      ::      ::      ::      ::      ::
325 ---SF--YQSARYNVTASICNTSPNSLESPPGLEQIRLHK-----QIVPENEAQVI-LFEHSAL
      580      590      600      610      620
```

Fig. 2G

Replacement Figure Sheet 10 of 39

```

10      20      30      40      50      60      70
Slit  CAGAGCAGGTGGAGAGGGCGGTGGGAGCGGTGTCCTGAGTGGGCTCTACTGCCCTGTTCATATATT
325  -----

80      90      100     110     120     130     140
Slit  TTGTGCACATTTCCCTGGCACTCTGGGTGCTAGCCCCCGGGGCACTGGGCCCTCAGACACTGCGCGGT
325  -----

150     160     170     180     190     200     210
Slit  TCCCTCGGAGCAGCAAGCTAAAGAAAGCCCCCAGTGCCGGCGAGGAAGAGCGCGGGGAAAGATGCGC
325  -----

220     230     240     250     260     270     280
Slit  GCGTTGGCTGGCAGATGCTGTCCCTGTCGCTGGGTTAGTGCTGGCGATCCTGAACAAGGTGGCACCGC
325  -----GTCG-----ACC--
          ::::
          ::::
```

Fig. 2H-1

Replacement Figure Sheet 11 of 39

```

290          300      310      320      330      340      350
Slit AGCGTGCCCGGCAGTGCTCTTGCTCGGCAGCACAGTGGACTGTACGGGCTGGCGCTGCGCAGCGT
325 -----CAGG-----CGT
          10

360          370      380      390      400      410      420
Slit GCCCAGGAATATCCCCCGCAACACCGAGAGACTGGATTAAATGGAATAACATCACAAGAATTACGAAG
          :.:.:.:.:.:
325 --CCGGAAATGTC-----
          20

430          440      450      460      470      480      490
Slit ACAGATTTTGCTGGTCTTAGACATCTAAGAGTTCTTCAGCTTATGGAGAATAAGATTAGCACCATTGAAA
          :.:.:.:.:.:
325 -----GTTCTTCAGATTTAAAAAGAAAA-----CCTTTA-----
          30      40      50

500          510      520      530      540      550      560
Slit GAGGAGCATTCAGGATCTTAAAGAACTAGAGAGACTGCGTTTAAACAGAAATCACCTTCAGCTGTTCC
          :.:.:.:.:.:
325 -----CTGAATC-----AGCT-GAGTG-----TTAAT-----AATACG-----AATTTC
          60      70      80
```

Fig. 2H-2

Replacement Figure Sheet 12 of 39

```
570      580      590      600      610      620      630
Slit TGAGTTGCTGTTTCTTGGGACTGCCGAAGCTATACAGGCTTGATCTCAGTGAAAACCAATTCAGGCAATC
:      :      :      :      :      :      :
325 T-----TTTCTTG---C--CAATTCTGATCTGA-----ACAGA-AAATCCAAGAACACAGG-----
90      100      110      120      130

640      650      660      670      680      690      700
Slit CCAAGGAAAGCTTCCGTTGGGCAGTTGACATAAAAAATTTGCAACTGGATTACAACCAGATCAGCTGTA
:      :      :      :      :      :      :
325 -----GATATGTG-----TGGATTACA-----GTT
140      150

710      720      730      740      750      760      770
Slit TTGAAGATGGGGCATTTCAGGGCTCTCCGGGACCTGGAAGTGCTCACTCTCAACAATAACAACATTACTAG
::      :      :      :      :      :      :
325 TT-----CTCT-----GCCT-----TGC-----CTACGA-----
160      170

780      790      800      810      820      830      840
Slit ACTTCTGTGGCAAGTTTCAACCATATGCCCTAAACTTAGGACTTTTCGACTGCATTCAAAACAACCTGTAT
:      :      :      :      :      :      :
325 -----CTGTTTCTGGTTGTTACCTGTTA-----TCCTTT-----AT
180      190      200
```

Fig. 2H-3

Replacement Figure Sheet 13 of 39

```

850      860      870      880      890      900      910
Slit  TGTGACTGCCACCTGGCCTGCTCTCCGACTGGCTTCGCCAAAGGCCTCGGGTTGGTCTGTACACTCAGT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  TATTACT-CCACAAAG-----AAATAC-----TTGGA-TGTTTCG-TC--T
      210      220      230

920      930      940      950      960      970      980
Slit  GTATGGGCCCCCTCCACCTGAGAGGCCATAATGTAGCCGAGGTTCAAACGAGAAATTGTCTGCAGTGG
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  GTTTG-----TC-----AGC-----TCTGCACTGG
      240      250

990      1000     1010     1020     1030     1040     1050
Slit  TCACCAGTCATTTATGGCTCCTTCTTGTAGTGTTTTGCACTGCCCTGCCGCTGTACCTGTAGCAACAAT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  G-----AGACAAATTA-----ACTGCC-----GTAACCTAGGC-----
      260      270      280

1060     1070     1080     1090     1100     1110     1120
Slit  ATCGTAGACTGTCTGGGAAAGGTCTCACTGAGATCCCACAAATCTCCAGAGACCATCACAGAAATAC
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  -----CTTTCGAG-----TATTC-----CTAAGA-----ATTTCCTGAAA--GT-ACAGTTTTC
      290      300      310      320
```

Fig. 2H-4

Replacement Figure Sheet 14 of 39

```
1130      1140      1150      1160      1170      1180      1190
Slit  GTTTGGAACAGAACACAATCAAAGTCATCCCTCCTGGAGCTTTCTCACCATATAAAAGCTTAGACGAAT
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  ---TGTATCTGA-----CTGGGAATAAATATATCTTATATAAATGAAAGT-GAAT
      330      340      350      360      370

1200      1210      1220      1230      1240      1250      1260
Slit  TGACCTGAGCAATAATCAGATCTCTGAACCTGCACCAGATGCTTTCCAAGGACTACGCTCTCTGAATTCA
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  TAAC-----AGGACTTC-----ATTCT
      380

1270      1280      1290      1300      1310      1320      1330
Slit  CTTGTCCCTCTATGGAAATAAAATCACAGAACTCCCCAAAGTTTATTGAAGGACTGTTTCCCTTACAGC
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
325  CTTGT-----AGC-----ATTGTATTGGA-----TAATTCTAACA--
      390      400      410      420

1340      1350      1360      1370      1380      1390      1400
Slit  TCCTATTATTGAATGCCAACAAGATAAACTGCCTTCGGGTAGATGCTTTTCAGGATCTCCACAACCTGAA
      :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: :: ::
      TTCGTATGTATAT-CCAAA-----GCCTTTG-----TTCAATTGAGG-----CATCTATAT
      430      440      450      460
```

Fig. 2H-5

Replacement Figure Sheet 15 of 39

```

1410      1420      1430      1440      1450      1460      1470
Slit CCTTCTCTCCCTATATGACAACAAGCTTCAGACCATCGCCAAGGGACCTTTTCACCTCTTCGGGCATT
      : : : : : : : : : : : : : : : :
325 T-TTCTATTTCTAAATAATAA-----TTTCA-----T
      470      480      490
```

	1480	1490	1500	1510	1520	1530	1540
Slit	CAAACTATGCATTGGCC	CAGAACCCCTTTATTGTGACTGCCATCTCAAGTGGCTAGCGGATTATCTCC					
	:::::	:: ::::: :::::	:::::		::: :::::		
325	CAAAC--GC-TTAGATCCTGGA-----ATATTT-----AAGGCACTTT---TAAATCTTC	510			520	530	
	500						

	1550	1560	1570	1580	1590	1600	1610
Slit	ATACCAACCCGATTGAGACCAAGTGGTGCCCGTTGCACCAAGCCCCCGCCCTGGCAACAAAGAATTGG						
	:::						
325	GTA-----						::: :::
	540						-----ATTATATTT
							550

	1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680
Slit	ACAGATCAAAGCAAGAAATTCGGTTGTT	CAGCTAAAGAACAGTATTTCA	TCCAGGTACAGAAGATTAT				
	::::: :::: ::::: :: ::::: ::::: ::	::::: ::::: ::::: ::::: ::::: ::					
325	ACAGT--ATAATCAGGTA--TC	TTTGTTC--CGAGAGG--AGTATT	TAAT-----				
	560	570	580	590			

Fig. 2H-6

Replacement Figure Sheet 16 of 39

```

1690      1700      1710      1720      1730      1740      1750
Slit CGATCAAAATTAAGTGGAGACTGCTTTGCGGATCTGGCTTGCCCTGAAAAGTGTGGCTGTGAAGGAACCA
      :.:.:.:.:.:
325 -GATCTAGTTT-----CAGTTCAG-----
      600      610

1760      1770      1780      1790      1800      1810      1820
Slit CAGTAGATTGCTCTAATCAAAAGCTCAACAAAATCCGGAGACACATTCCCCAGTACACTGCAGAGTTGCCG
      :.:.:.:.:.:
325 -----TACTTAAATCTA-----CAAA-----GGAA-----TCGCCT-----CACTG-----
      620      630      640

1830      1840      1850      1860      1870      1880      1890
Slit TCTCAATAATAATGAATTTACCGTGTGGAAGCCACAGGAATCTTTAAGAAACTTCCTCAATTACGTAAA
      :.:.:.:.:.:
325 -----TCC-----TTGGGAG-----TGG-----TACCT-----
      650      660

1900      1910      1920      1930      1940      1950      1960
Slit ATAAACTTTAGCAACAATAAGATCACAGATATTGAGGAGGGAGCATTTGAAGGAGCATCTGGTGTAATG
      :.:.:.:.:.:
325 -----TTGTTGGTATGGTTGCT-----CTTCGG-----
      670      680
```

Fig. 2H-7

Replacement Figure Sheet 17 of 39

```

170 1970 1980 1990 2000 2010 2020 2030
Slit AAATACTTCTTACGAGTAATCGTTTGGAAATGTGCAGCATAAGATGTTCAAGGGATTGGAAGCCTCAA
      :::::  :: :::::
325 --ATACTT-----GATTATC-----A
      690

2040 2050 2060 2070 2080 2090 2100
Slit AACTTTGATGTTGAGAAGCAATCGAATAACCTGTGTGGGAATGACAGTTTCATAGGACTCAGTTCGTG
      ::      :::::  :: :::::
325 AAC-----AATAAC--ATTTGAGGATATCAGAATCAG-----
      700      710      720

2110 2120 2130 2140 2150 2160 2170
Slit CGTTTGCTTTCTTTGTATGATAATCAAAATTACTACAGTTGCACCAGGGCATTGTGATACTCTCCATTCTT
      :::::
325 -----GCTTTC-----
      730

2180 2190 2200 2210 2220 2230 2240
Slit TATCTACTCTAAACCTCTTTGGCCAAATCCCTTTTAACTGTAACTGCTACCTGGCTTGGTTGGAGAGTGGCT
      :: :::::  :::::
325 -----AACATCTTGA--AAACCTT-----GCTTGTGTTGTAT-----T
      740      750      760
```

Fig. 2H-8

Replacement Figure Sheet 18 of 39

Slit	2250	2260	2270	2280	2290	2300	2310
	GAGAAAGAGAGAA	TTGTCACGGGAAAT	CCTAGATGTCAAAA	ACCATACTTCT	GAAAGAAATAC	CCATC	
	
325	TAGGAAGTAATA	TTA--ACAAAAGTACC	-----ATCAAATGCCTTT	-----GAAGTAC	-----	-----	
	770	780	790	800	810		
Slit	2320	2330	2340	2350	2360	2370	2380
	CAGGATGTGGCCAT	TCAGGACTTCAC	TGTGATGACGGA	AATGATGACAA	TAGTGTCTCC	CACTTCTC	
	
325	-----TTAAAAGTCTT	-----AGAAGACTTT	-----CTTGTCTC	820	830	840	
Slit	2390	2400	2410	2420	2430	2440	2450
	GCTGTCTACTGA	ATGTACTTGTG	GATACAGTCGT	CCGATGTAGCA	ACAAGGTTT	GAAAGTCTTG	CC
	
325	ATAATCCTATT	GA-----GCA--	ATACAG-C--CCT	TTG---CA--	TTAAAGGACT	TGCC	
	850	860	870	880	890		
Slit	2460	2470	2480	2490	2500	2510	2520
	GAAAGGTATTCC	AAGAGATGTC	ACAGAGTTGT	ATCTGGATGGA	AAACCAATT	TACACTGGT	TCCCAAGGAA
	
325	AA-----	-----TCTGGA--	ATACC-----TCC	-----	-----	-----	

Fig. 2H-9

Replacement Figure Sheet 19 of 39

```

2530      2540      2550      2560      2570      2580      2590
Slit CTCTCCAACTACAAACATTAAACACTTATAGACTTAAGTAACAACAGATAAGCACGCTTTCTAATCAGA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ---TCCTGAAAAAATTCAAGAA-----TTAGGA---ATGTTACTA-GGGATGGG-----TTTAGT--GG
      910      920      930      940      950

2600      2610      2620      2630      2640      2650      2660
Slit GCTTCAGCAACATGACCCAGCTCCTCACCTTAATTCTTAGTTACAACCGTCTGAGATGTATTCCTCCTCG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 AATTAATAATCTTAA-----ACATTGATCTTAA-----GTCA-TAATGA-----
      960      970      980      990

2670      2680      2690      2700      2710      2720      2730
Slit CACCTTTGATGGATTAAAGTCTCTTCGATTACTTTCTCTACATGGAAATGACATTTCTGTGCGCTGAA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ---TTTAGAGAAATTTAAAT-----TCTGACACATTCAGT--TTGTTAAAGA-ATT--TAATTTACCTTAA
      1000     1010     1020     1030     1040     1050

2740      2750      2760      2770      2780      2790      2800
Slit GGTGCTTTCAATGATCTTTCTGCAATTATCACATCTAGCAATTGGAGCCCAACCCTCTTTACTGTGATTGTA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 G-----TTAGATAGAA---ACAGAATAAT-----TAGCATT-----GATAATGAT
      1060      1070      1080
```

Fig. 2H-10

Replacement Figure Sheet 20 of 39

```

2810      2820      2830      2840      2850      2860      2870
Slit ACATGCAGTGGTTATCCGACTGGGTGAAGTCGGAATATAAGGAGCCTGGAATTGCTCGTTGTGCTGGTCC
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACAT-----TTGAAAATATGGGAGCAT-----CTTTGAA--GATCC
1090      1100      1110      1120

2880      2890      2900      2910      2920      2930      2940
Slit TGGAGAAATGCAGATAAACTTTTACTCACAACTCCCTCCAAAAAATTACCTGTCAAGGTCCTGTGGAT
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 T-----TAATCTGTTCAT-----
      1130

2950      2960      2970      2980      2990      3000      3010
Slit GTCAATATTCTAGCTAAGTGTAACCCCTGCCTATCAAATCCGTGTAAAAATGATGGCACATGTAATAGTG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 -TTAATAATCTTACA-----GCCTTGC--ATCCAAG-----G
1140      1150      1160

3020      3030      3040      3050      3060      3070      3080
Slit ATCCAGTTGACTTTTACCGATGCACCTGTCCCATATGGTTTCAAGGGCAGGACTGTGATGTCCCAATTCA
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325 GTCC-----TTAAGCCGT-----TGTC-----TTCATTG-----ATTCA
1170      1180      1190
```

Fig. 2H-11

Replacement Figure Sheet 21 of 39

```

3090      3100      3110      3120      3130      3140      3150
Slit  TGCCTGCATCAGTAACCCATGTAAACATGGAGGAACCTTGCCACTTAAAGGAAGAGAGATGGATT
:      :      :      :      :      :      :
325  T-----CTTCAGG-----CAAATT-----CTAATC-CTT-----GGAATGTAAGTGCAAAC
      1200      1210      1220      1230

      3160      3170      3180      3190      3200      3210      3220
Slit  TGGTGATTTGTGCTGATGGATTGAAGGAGAAAATTGTGAAGTCAACGTTGATGATTGTGAAGATAATG
:      :      :      :      :      :      :
325  T-----TTTGGG-----CTTCGA-----CTTCGA-----CTTCGA-----G
      1240

      3230      3240      3250      3260      3270      3280      3290
Slit  ACTGTGAAAAATAATTCTACATGTGTCGATGGCATTAATAACTACACATGCCCTTGCCCCACCTGAGTATAC
:      :      :      :      :      :      :
325  ACTG-----GC-----TAGCAT-----CTTCA---GCCATTAC-----
      1250      1260      1270

      3300      3310      3320      3330      3340      3350      3360
Slit  AGGTGAGTTGTGTAGGAGAGAGCTGGACTTCTGTGCCCAGGACCTGAACCCCTGCCAGCACGATTCAAAG
:      :      :      :      :      :      :
325  -----TCTAAACATCTATT-----GTCAGAAATCCCC-----
      1280      1290

```

Fig. 2H-12

Replacement Figure Sheet 22 of 39

```

3370      3380      3390      3400      3410      3420      3430
Slit  TGCATCCTAACTCCAAGGGATTCAAATGTGACTGCACACGAGGTACGTAGTGAACACTGCGACATCG
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325  --CATCCATGC-----GTGGCAGAGCA-----TTACGTT-----
1300      1310      1320

3440      3450      3460      3470      3480      3490      3500
Slit  ATTTTGACGACTGCCAAGACACAAGTGTA AAAACGGAGCCCACTGCACAGATGCAGTGAACGGCTATAC
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325  ATATTAAC-----ATTACAAATTGTGTTA-----CATCTTCA-----ATAA
1330      1340      1350      1360

3510      3520      3530      3540      3550      3560      3570
Slit  GTGCATATGCCCCGAAGGTTACAGTGGCTTGTCTGTGAGTTTCTCCACCCATGGTCCCTCCGTACC
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325  ATGTAT-----CCAGAG-----CTTGGGCT-GTT-----GTAAAAATCTCCTC--ATATTCATCACAAGA--C
1370      1380      1390      1400      1410

3580      3590      3600      3610      3620      3630      3640
Slit  AGCCCCCTGTGATAATTTTGATTGTCAGAAATGGAGCTCAGTGTATCGTCAGAAATAATGAGCCCAATATGTC
      : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
325  TAC---TGGCGCTAAT---GATGGCCTG-----GCATAAAGTAAC--CA-----CAA-ATGGC
1420      1430      1440      1450
```

Fig. 2H-13

Replacement Figure Sheet 23 of 39

Slit	AGTGTTCCTGGCTATCAGGGAGAAAAGTGTGAAAATTGGTTAGTGTGAATTTTATAACAAAGAGTC	3650	3660	3670	3680	3690	3700	3710
325	AGT-----CCT--CT-----GGAAAATACTGAGAC-----TGAGAACATTACTTTCTGGGAA--	1460	1470	1480	1490	1500		
Slit	TTATCTTCAGATTCCCTTCAGCCCAAGGTTCCGGCCTCAGACGAAACATAAACACTTCAGATTGCCACAGATGAA	3720	3730	3740	3750	3760	3770	3780
325	-----CGAATTCCTAC-----TTCACCTGCTGGTAGA-TTTTTCAGAGAAATGCCTTTGGTAA-	1510	1520	1530	1540	1550		
Slit	GACAGCGGAATCCTCCTGTATAAGGGTGACAAAGACCATATCGCGGTAGAACTCTATCGGGGCGGTGTTTC	3790	3800	3810	3820	3830	3840	3850
325	-----TCCATTA-----GAGACTA-----CA-----GCAGTGTTC-CTGT-----GCAAAATAC	1560	1570	1580	1590			
Slit	GTGCCAGCTATGACACCGGCTCTCATCCAGCTTCTGCCATTACAGTGTGGAGACAATCAATGATGGAAA	3860	3870	3880	3890	3900	3910	3920
325	AA-CTTACTA-----CTTCTGTTACCTTGAACCT---TGGAATAAAACAGTGTCT----	1600	1610	1620	1630			

Fig. 2H-14

Fig. 2H-15

Replacement Figure Sheet 25 of 39

```
4210 4220 4230 4240 4250 4260 4270
Slit TGTGAGCCATGCCACAAGAGGTGTGTGCCCCATGGCACATGCCAGCCAGCAGCCAGGCTTCACCT
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 TTTGATC--TAC-----AAAGTTGTT-----CAGTTTA----A
1770 1780 1790

4280 4290 4300 4310 4320 4330 4340
Slit GCGAGTGCCAGGAAGGATGGATGGGGCCCCCTCTGTGACCAACGGACCAATGACCCCTTGCCCTTGGAATAA
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACAAAACTA--AAG-----CATCAGAAAACT-----CAAGGGAATAA
1800 1810 1820

4350 4360 4370 4380 4390 4400 4410
Slit ATGCGTACATGGCACCTGCTTGCCCATCAATGCGTTCTCTACAGCTGTAAAGTGTGGAGGGCCATGGA
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 AGACTTGAATA-CTACAGCTT-----TTATCAGTCAGCAAGGTATA-----ATGTA
1830 1840 1850 1860 1870

4420 4430 4440 4450 4460 4470 4480
Slit GGTGTCCTCTGTGATGAAGAGGAGGATCTGTTTAACCCATGCCAGCGCATCAAGTGCAAGCACGGGAAGT
: : : : : : : : : : : : : : : :
325 ACTG-CCTCAAT-TTG-----TAACACTTCCC-----CAAATTCT--CT-AGAAAGT
1880 1890 1900 1910
```

Fig. 2H-16

Replacement Figure Sheet 26 of 39

4490	4500	4510	4520	4530	4540	4550
Slit	GCAGGCTTTCAGGTCTGGGCAGCCCTACTGTGAATGCAGCAGTGGATACACGGGGACAGCTGTGATCG					

325	CCTGGCTT-----GGAGCAG-----ATTC-----GACTTCA-TAAACA					
	1920	1930			1940	
4560	4570	4580	4590	4600	4610	4620
Slit	AGAAATCTCTTGTGCGAGGGGAAAGGATAAGAGATTATTACCAAAAGCAGGCGCTATGCTGCTTGCCAA					

325	AATTGT-TC-----C-----TGAAAATGAG-----GCA-CAGGTC-ATTCTTTTGTG---A					
	1950	1960	1970	1980		
4630	4640	4650	4660	4670	4680	4690
Slit	ACAACCAAGAAGGTGTCCCGATTAGAGTGCAGAGGTGGGTGTGCAGGAGGCAGTGCTGTGGACCGCTGA					

325	ACATTC-----ACATTC-----TGCTTTATAAATC---					
	1990		2000			
4700	4710	4720	4730	4740	4750	4760
Slit	GGAGCAAGCGCGGAAATACTCTTTCGAATGCACTGACGGCTCCTCTTTGTGGACGAGGTTGAGAAAGT					

325	--AACTAA-----ATATTGTCTATAAGAAACT---TCAGTGCCA-----TGGACATGATTAA---					
	2010	2020	2030	2040	2050	

Fig. 2H-17

Replacement Figure Sheet 27 of 39

```

4770      4780      4790      4800      4810      4820      4830
Slit GGTGAAGTGGGCTGTACGAGGTGTGTCTTAACACACTCCCGCAGCTCTGTCTTTGGAAAAGGTTG
325  -----CTG-----AAAC---CTC-----CTT---ATATAATTA
      2060      2070

4840      4850      4860      4870      4880      4890      4900
Slit TATACTTCTTGACCATGTGGGACTAATGAATGCTTCATAGTGGAAATATTTGAAATATATTGTAAATAC
      :::: :::: :::: :::: :::: :::: ::::
325  TATACTT-TAGT---TGGAATATATAATGAATTATATGAGGTAGCATTTAATAAATATGTTTTTAA-----
      2080      2090      2100      2110      2120      2130

4910      4920      4930      4940      4950
Slit AGAACAGACTTATTTTATTATGAGAAATAAAGACTTTTCTTCTGCATTG
      :::: :::: :::: :::: :::: :::: ::::
325  -----TAAAAAATAAATAAATAAAGGCG-----GCCGC-----
      2140      2150      2160
```

Fig. 2H-18

Replacement Figure Sheet 28 of 39

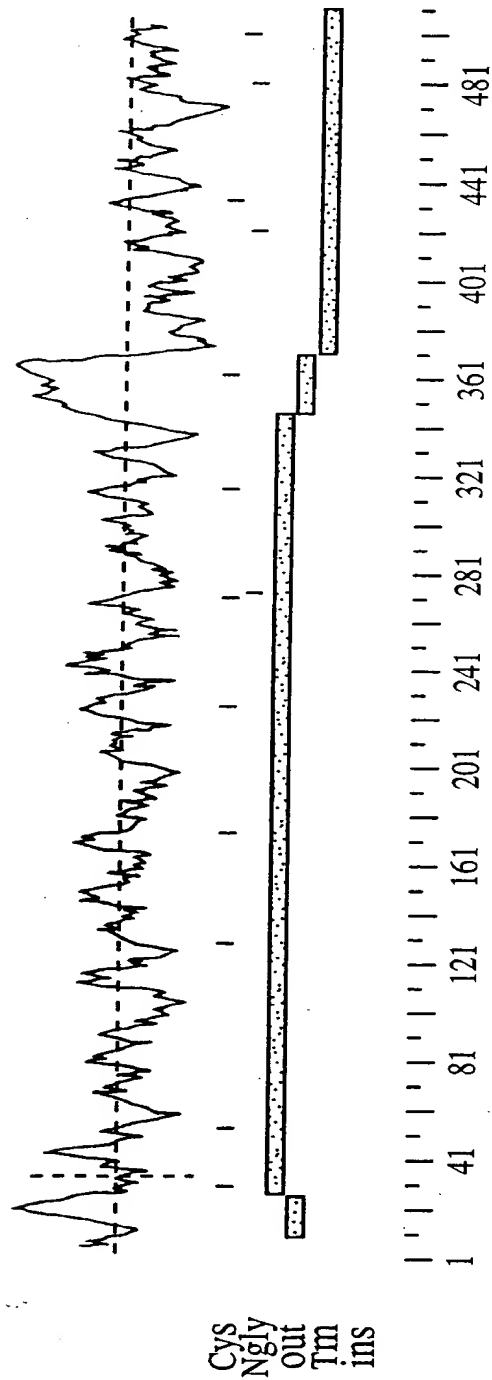


Fig. 3A

Replacement Figure Sheet 29 of 39[illegible]

Fig. 3B

Replacement Figure Sheet 30 of 39

```

100      110      120      130      140      150      160
ALT  NWTRLDGPLPSGVRVDGDTLGFPPPLTTEHSGIYVCHVSNEFSSRDSQVTVDVLADPQEDSGKQVDLVSAS
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  NWTRLDGPLPSGVRVDGDTLGFPPPLTTEHSGIYVCHVSNEFSSRDSQVTVDVL-DPQEDSGKQVDLVSAS
      290      300      310      320      330      340

170      180      190      200      210      220
ALT  VVVVGVIALLFCLLVVVVLMsRYHRRKAQQMTQKYEELTLTRENsIRRLHSHHTDPRSQ-----
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  VVVVGVIALLFCLLVVVVLMsRYHRRKAQQMTQKYEELTLTRENsIRRLHSHHTDPRSQPEESVGLR
      350      360      370      380      390      400      410

230      240      250      260      270
ALT  -----SEEPGRSYSTLTTVREIETQTELLSPGSGRAEEEEEDQDEGIKQAMNHFVQEN
      ::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::
T364  AEGHPDSLKDNSSCSVMSEEPGRSYSTLTTVREIETQTELLSPGSGRAEEEEEDQDEGIKQAMNHFVQEN
      420      430      440      450      460      470      480

280      290
ALT  GTLRAKPTNGIYINGRGHLV
      ::::::::::::::::::::::::::::::
T364  GTLRAKPTNGIYINGRGHLV
      490      500      510
```

Fig. 3C

Replacement Figure Sheet 31 of 39

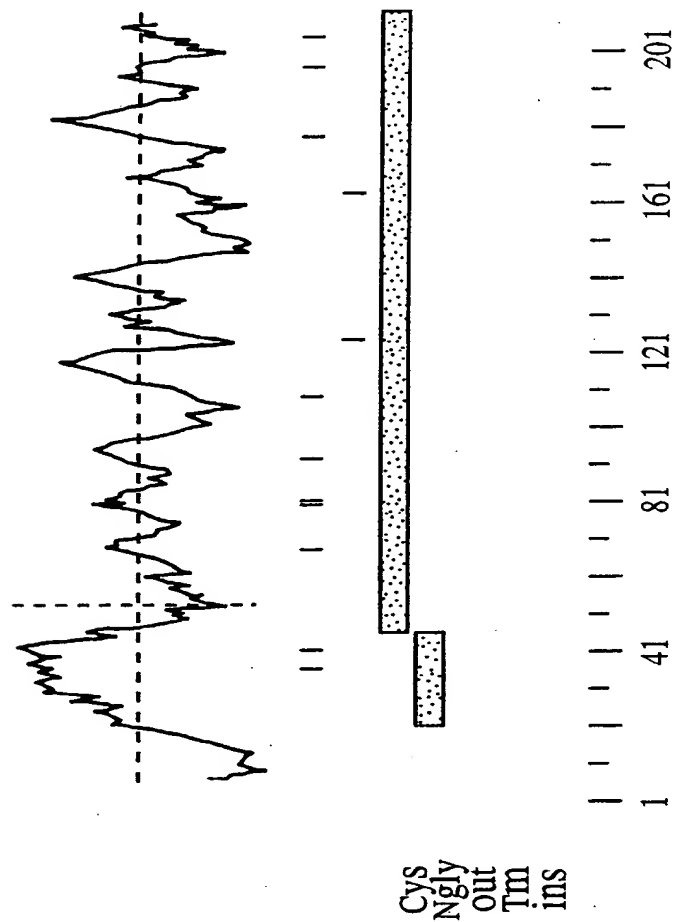


Fig. 4A

Filed: January 19, 2001

Replacement Figure Sheet 32 of 39

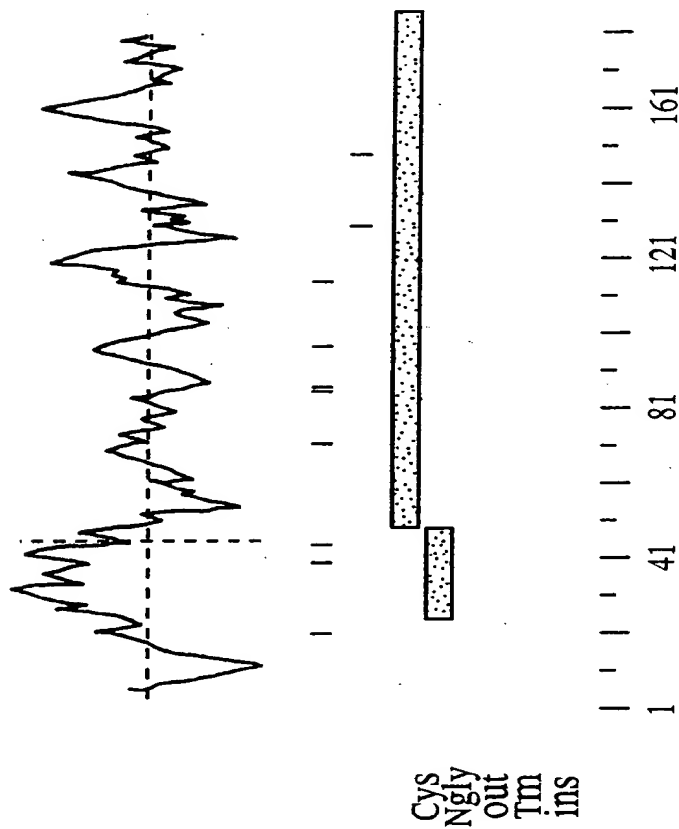


Fig. 4B

Replacement Figure Sheet 33 of 39

human	MMQEQPQST	10	20	30	40	50	60	70
	TEKRGWLSRL							
	WSVAGISIAL							
	LACFIVSCV							
	VVYHFTYGE							
	TGKRLSELH							
	SYHSSLT							
	CFSEG							
murine	MVQERQSQ	10	20	30	40	50	60	
	KGVC-W-TL							
	RLWSAAVIS							
	MLLSTCFI							
	ASCVVTYQ							
	FIMDQPSR							
	RLYELHTY							
	HSSLT							
	CFSEG							
human	TKVPA--WG	80	90	100	110	120	130	
	CCPASWKSF							
	FGSSCYFIS							
	SEEKVVSK							
	SEQNCVEM							
	GAHLVVF							
	NTEAEQNF							
	IVQQLNES							
	FSYFL							
murine	TMVSEKM	70	80	90	100	110	120	130
	WGCCPNHW							
	KSFSGSSC							
	YLSTKEN							
	FWSTSEQ							
	NCVQMG							
	AHLVV							
	NTEAEQNF							
	ITQQLNES							
	LSYFL							
human	GLSDPQGN	140	150	160	170	180	190	200
	NNNQWIDK							
	TPYEKNV							
	RFWHLGEP							
	NHSAEQCA							
	SIVFWKPT							
	GTGWGWN							
	DVICETRR							
	NSICEMNK							
	IY							
murine	GLSDPKVM	140	150	160	170	180	190	200
	AN-----							
	NGSMILL							
	SV---KMS							
	SGS-----							
	TPMNPI							
	FQKSGVF							
human L								
murine Q								

Fig. 4C

Replacement Figure Sheet 34 of 39

human	ATGATGCAAGAGCAGCAACCTCAAAGTACAGAGAAAGAGGCTGTTGTCCCTGAGACTCTGGTCTGTGG	10	20	30	40	50	60	70
murine	ATGGTGCAGGAAAGACAAATCCCA-----AGGGAAGGAGTCTGTCTGGACCCCTGAGACTCTGGTCAGCTG	10	20	30	40	50	60	
human	CTGGGATTTCACATTGCACCTCCTCAGTGCTTGCTTCAATTGTGAGCTGTGTAGTAACCTTACCAATTTACATA	80	90	100	110	120	130	140
murine	CTGTGATTTCACATGTTACTCTTGAGTACCTGTTTCAATTGCGAGCTGTGTGGTGACTTACCAATTTATTAT	70	80	90	100	110	120	130
human	TGGTGAAACTGGCAAAAGGCTGTCTGAACCTACACTCATATCATTTCAAGTCTCACCTGCTTCAGTGAAGGG	150	160	170	180	190	200	210
murine	GGACCAGCCCAGTAGAAGACTATATGAACCTTCACACATACCAATTCAGTCTCACCTGCTTCAGTGAAGGG	140	150	160	170	180	190	200
human	ACAAAGTGCCAGCC-----TGGGGATGTTGCCCAGCTTCTTGGAAAGTCATTTGTTCCAGTTGCTACT	220	230	240	250	260	270	
murine	ACTATGGTGTGAGAAAAAATGTGGGGATGCTGCCCCAAATCACTGGAAGTCATTTGGCTCCAGCTGCTACC	210	220	230	240	250	260	270

Fig. 4D

Fig. 4E

Replacement Figure Sheet 36 of 39

560 570 580 590 600 610 620
human AGGATGGGGCTGGAATGATGTTATCTGTGAACTAGAAGGAATTCAATATGTGAGATGAATAAGATTAC

murine -----

human CTA

murine ---

Fig. 4F

Replacement Figure Sheet 37 of 39

```
mT405 MVQERQSQKGVCWTLRLWSAAVISMLLLSTCFIASCVVTYQFIMDQPSRRLYELHTYHSSLTCFSEGTM 10 20 30 40 50 60 70
      :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: 60
Dectin MVQERQSQKGVCWTLRLWSAAVISMLLLSTCFIASCVVTYQFIMDQPSRRLYELHTYHSSLTCFSEGTM 10 20 30 40 50 60 70
      :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: 60

mT405 VSEKMWGCCPNHWKSGSSCYLISTKENFWSTSEQNCVQMG AHLVVINTEAEQNFI TQQLNESLSYFLGL 80 90 100 110 120 130 140
      :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: 130
Dectin VSEKMWGCCPNHWKSGSSCYLISTKENFWSTSEQNCVQMG AHLVVINTEAEQNFI TQQLNESLSYFLGL 80 90 100 110 120 130 140
      :::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::::: 130

mT405 SDPKVMAN---GNGSMILLSVKMSGSGTGMNP-----IF-----QKSGVFQ 150 160 170
      :::: .. .... .::: . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
Dectin SDPQGNKGKQWIDDTFQSQNVRFWHPHEPNLPEERCVSIVYWNPSKWGWNDVFCDSKHNSICEMKKIYL 150 160 170 180 190 200
      :::: .. .... .::: . : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : : :
```

Fig. 4G

Replacement Figure Sheet 38 of 39

10	20	30	40	50	60	70
ht405	MMQEQQPQST	ETKRGWLSRL	WSVAGISIAL	LACFIVSCVV	TYHFTYGET	GKRLSELHSH
	SSLT	CFSEG				
	:
Dectin	MVQERQSQG	KGVC-W-TL	RLWSAAVIS	MLLLSTCF	IASCVVTYQ	FIMDQPSRR
	LYELH	TYHSH	SLT	CFSEG		
10	20	30	40	50	60	70
80	90	100	110	120	130	140
ht405	TKVPA--WG	CCPASWKS	FGSSCYFIS	SEEKVVSK	SEQNCVEM	GAHLVVFN
	TEAEQN	FIVQQL	NESFSYFL			

Dectin	TMVSEKMW	GCCPNHWK	SFGSSCYL	ISTKENFW	STSEQNCV	QMGAHLVV
	INTEAEQN	FITQQL	NESLSYFL			
80	90	100	110	120	130	140
150	160	170	180	190	200	
ht405	GLSDPQGN	NNWQWIDK	TPYEKNVR	FWHLGEPN	HSAEQCAS	IVFWKPTG
	WGWNDV	ICETRRNS	ICEMNKIYL			

Dectin	GLSDPQGN	GKWQWIDT	PFQSNVR	FWHPHEPN	LPEERCVS	IVYWNPSK
	WGWNDV	FCDSKHNS	ICEMKKIYL			
150	160	170	180	190	200	

Fig. 4H

Replacement Figure Sheet 39 of 39

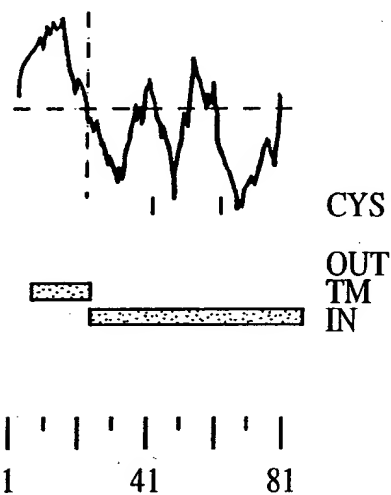


Fig. 5A